

**Переварюха А. Ю. (Санкт–Петербург, Россия) Моделирование популяционной инвазии в уравнении со стохастически возмущенным запаздыванием.**

В предыдущей работе [1] мы предложили модель сценария деградации промысловой популяции рыб со стохастическим возмущением после выхода популяции и интервала  $\Omega_s$  стабильного восполнения. Модель (1) сочетает стохастическое и детерминированное поведения в двух диапазонах, не имеющих гладкой границы. Выживаемость поколений  $R = N(T)$  от  $N(0) = \lambda S, S \in \Omega_s$  на интервале  $t \in [0, \dots, \xi, \omega, \dots, T]$  описана уравнением:

$$\frac{dN}{dt} = -(\alpha \bar{w}(\xi)N(t) + \bar{\Theta}(N(0))\beta)N(t), 0 < t < T. \quad (1)$$

$\alpha, \beta$  — коэффициенты убыли? соотнесенные с динамикой роста  $w(\xi)$ .  $\bar{\Theta}(N(0)) = [1 + \exp(-\kappa N(0)^2)] \times \gamma, \lim_{N(0) \rightarrow \infty} \bar{\Theta}(N(0)) = 1$  пороговое снижение эффективности воспроизводства в  $S < \mathcal{L} \in \mathbb{N}$ , где  $\gamma \in (0, 1]$  — равномерно распределенная случайная величина. Так мы получили область малочисленной группы  $\mathcal{L} \subset U_1 \in \Omega_s$ , где воспроизводство обусловлено случайными факторами. Полученная на основе унимодальной зависимости  $\psi(x) = \bigcup_{N(0)} N(T), N(0) \in \mathbb{Z}^+$  численных решений (1) на интервале  $t \in [0, T]$  траектория итераций  $x_{n+1} = \psi(x_n), x_0 < \mathcal{L}$  обладает свойством ограниченного стохастического возмущения, имитирующего действие среды на истощенную промыслом популяцию.

При анализе стремительных биологических инвазий и инфекций актуален сценарий, когда достигнутая численность  $N(t) \rightarrow \mathfrak{K}$  не будет устойчивой. Стохастическое воздействие значимо в активации противоборства в состоянии высокой численности — близкой к критической для среды. При приближении к порогу начала разрушения среды наблюдается усиление противодействия, что типично для иммунного ответа организма. Время активации важно для итогового состояния, но не может быть менее  $\tau_1$ . Пусть время активации варьируется случайной величиной  $\gamma$  в ограниченном диапазоне. Используем уравнение с возмущенным случайной величиной запаздыванием  $(t - \tau_1\gamma)$ :

$$\frac{dN}{dt} = rN(t) \ln \left( \frac{\mathfrak{K}}{N(t - \tau\gamma)} \right) - \frac{\delta N^2(t - \tau_1\gamma)}{(J - N(t))^2} - qN(t), \delta > q, \gamma(\omega) \in [1, 2]. \quad (2)$$

При приближении  $N(t)$  к пороговому значению численности  $J, N(0) < J < \mathfrak{K}$  развивается переход в глубокий популяционный кризис  $N(t) \rightarrow 0 + \epsilon$ . Сценарий преодоление популяцией кризиса с образованием колебаний  $N(t) \rightarrow N_*(t), \max N_*(t) < J$  зависит от стохастических факторов. Можно показать, что подобная популяция гарантированно погибает при увеличении репродуктивного потенциала  $r$ . Теорема 1. Существует  $r = \bar{r}$ , что вероятность  $P > 0$  для события  $\lim_{t \rightarrow \bar{t}} N(t; \bar{r}\tau) = 0$  и при  $r > \bar{r}$  реализуется для данного события  $\lim_{t \rightarrow \infty} P = 1$ . Модель (2) описывает сценарий противодействие иммунной системы развитию инфекции, которая способна превращаться в колеблющуюся хроническую при  $N(t) \ll J$ . Иммунный ответ имеет не полностью предопределенный характер из-за недетерминированной длительности этапов иммунной активации. Варьируются время презентации антигена и продолжительность подбора подходящих наивных лимфоцитов, так одни организмы справляются с инфекцией быстрее других.

#### СПИСОК ЛИТЕРАТУРЫ

1. *Переварюха А.Ю.* "Моделирование коллапса промысловой популяции при стохастической неопределенности Теор. вероятности и её применения, 2017, Т. 62, Вып. 4, 820–821.